

Table S1 Pairwise Pearson correlations between genome-wide ChIP-chip profiles.

Correlation coefficients were calculated between concatenated gene profiles ranging each from TSS-250 bp to pA+250 bp (see Methods).

	Tfg1	Kin28	TFIIB	Cet1	Ceg1	Abd1	Nrd1	S5P	S7P
Tfg1	1	0,96	0,97	0,85	0,85	0,76	0,5	0,71	0,66
Kin28	0,96	1	0,96	0,88	0,88	0,8	0,55	0,69	0,6
TFIIB	0,97	0,96	1	0,87	0,87	0,76	0,46	0,69	0,64
Cet1	0,85	0,88	0,87	1	0,93	0,84	0,69	0,72	0,7
Ceg1	0,85	0,88	0,87	0,93	1	0,85	0,62	0,7	0,63
Abd1	0,76	0,8	0,76	0,84	0,85	1	0,66	0,75	0,64
Nrd1	0,5	0,55	0,46	0,69	0,62	0,66	1	0,59	0,47
S5P	0,71	0,69	0,69	0,72	0,7	0,75	0,59	1	0,93
S7P	0,66	0,6	0,64	0,7	0,63	0,64	0,47	0,93	1
CBP20	0,46	0,45	0,4	0,56	0,5	0,6	0,72	0,77	0,73
Rpb3	0,61	0,56	0,54	0,59	0,53	0,61	0,6	0,8	0,82
Spt6	0,45	0,41	0,37	0,45	0,38	0,51	0,6	0,71	0,72
Spt4	0,27	0,25	0,18	0,28	0,23	0,39	0,55	0,57	0,57
Spt5	0,51	0,49	0,42	0,5	0,43	0,55	0,65	0,7	0,67
Bur1	0,33	0,32	0,23	0,32	0,29	0,44	0,53	0,54	0,52
Spt16	0,35	0,33	0,24	0,31	0,29	0,44	0,55	0,57	0,54
Ctk1	0,09	0,02	0	0,05	-0,01	0,15	0,25	0,48	0,53
Paf1	0,17	0,14	0,07	0,16	0,11	0,27	0,44	0,52	0,52
Elf1	0,11	0,07	0,03	0,13	0,06	0,2	0,41	0,46	0,51
Spn1	0,08	0,02	-0,01	0,1	0,04	0,16	0,37	0,44	0,51
Y1P	0,11	0,06	0,02	0,15	0,07	0,19	0,43	0,49	0,58
S2P	-0,11	-0,18	-0,15	-0,07	-0,16	-0,07	0,08	0,31	0,49
Pcf11	0,2	0,17	0,11	0,2	0,17	0,23	0,4	0,26	0,29
Rna14	0,17	0,13	0,13	0,23	0,16	0,2	0,31	0,35	0,43
Rna15	0,16	0,1	0,13	0,23	0,14	0,17	0,3	0,33	0,42
Rtt103	0,32	0,33	0,3	0,51	0,44	0,46	0,62	0,49	0,53

	CBP20	Rpb3	Spt6	Spt4	Spt5	Bur1	Spt16	Ctk1	Paf1
Tfg1	0,46	0,61	0,45	0,27	0,51	0,33	0,35	0,09	0,17
Kin28	0,45	0,56	0,41	0,25	0,49	0,32	0,33	0,02	0,14
TFIIB	0,4	0,54	0,37	0,18	0,42	0,23	0,24	0	0,07
Cet1	0,56	0,59	0,45	0,28	0,5	0,32	0,31	0,05	0,16
Ceg1	0,5	0,53	0,38	0,23	0,43	0,29	0,29	-0,01	0,11
Abd1	0,6	0,61	0,51	0,39	0,55	0,44	0,44	0,15	0,27
Nrd1	0,72	0,6	0,6	0,55	0,65	0,53	0,55	0,25	0,44
S5P	0,77	0,8	0,71	0,57	0,7	0,54	0,57	0,48	0,52
S7P	0,73	0,82	0,72	0,57	0,67	0,52	0,54	0,53	0,52
CBP20	1	0,8	0,81	0,72	0,78	0,73	0,73	0,62	0,72
Rpb3	0,8	1	0,94	0,85	0,92	0,78	0,81	0,67	0,75
Spt6	0,81	0,94	1	0,92	0,95	0,83	0,86	0,75	0,84
Spt4	0,72	0,85	0,92	1	0,91	0,83	0,9	0,75	0,84
Spt5	0,78	0,92	0,95	0,91	1	0,81	0,86	0,66	0,8
Bur1	0,73	0,78	0,83	0,83	0,81	1	0,89	0,79	0,85
Spt16	0,73	0,81	0,86	0,9	0,86	0,89	1	0,76	0,85
Ctk1	0,62	0,67	0,75	0,75	0,66	0,79	0,76	1	0,84
Paf1	0,72	0,75	0,84	0,84	0,8	0,85	0,85	0,84	1
Elf1	0,65	0,78	0,88	0,94	0,83	0,75	0,8	0,79	0,85
Spn1	0,63	0,75	0,85	0,9	0,79	0,72	0,77	0,78	0,83
Y1P	0,69	0,75	0,82	0,82	0,75	0,68	0,71	0,75	0,77
S2P	0,44	0,55	0,61	0,63	0,49	0,44	0,44	0,67	0,59
Pcf11	0,43	0,6	0,65	0,69	0,69	0,6	0,59	0,43	0,5
Rna14	0,47	0,64	0,65	0,62	0,61	0,5	0,49	0,47	0,47
Rna15	0,42	0,59	0,59	0,58	0,57	0,36	0,4	0,42	0,38
Rtt103	0,64	0,63	0,6	0,57	0,62	0,47	0,44	0,33	0,4

	Elf1	Spn1	Y1P	S2P	Pcf11	Rna14	Rna15	Rtt103
Tfg1	0,11	0,08	0,11	-0,11	0,2	0,17	0,16	0,32
Kin28	0,07	0,02	0,06	-0,18	0,17	0,13	0,1	0,33
TFIIB	0,03	-0,01	0,02	-0,15	0,11	0,13	0,13	0,3
Cet1	0,13	0,1	0,15	-0,07	0,2	0,23	0,23	0,51
Ceg1	0,06	0,04	0,07	-0,16	0,17	0,16	0,14	0,44
Abd1	0,2	0,16	0,19	-0,07	0,23	0,2	0,17	0,46
Nrd1	0,41	0,37	0,43	0,08	0,4	0,31	0,3	0,62
S5P	0,46	0,44	0,49	0,31	0,26	0,35	0,33	0,49
S7P	0,51	0,51	0,58	0,49	0,29	0,43	0,42	0,53
CBP20	0,65	0,63	0,69	0,44	0,43	0,47	0,42	0,64
Rpb3	0,78	0,75	0,75	0,55	0,6	0,64	0,59	0,63
Spt6	0,88	0,85	0,82	0,61	0,65	0,65	0,59	0,6
Spt4	0,94	0,9	0,82	0,63	0,69	0,62	0,58	0,57
Spt5	0,83	0,79	0,75	0,49	0,69	0,61	0,57	0,62
Bur1	0,75	0,72	0,68	0,44	0,6	0,5	0,36	0,47
Spt16	0,8	0,77	0,71	0,44	0,59	0,49	0,4	0,44
Ctk1	0,79	0,78	0,75	0,67	0,43	0,47	0,42	0,33
Paf1	0,85	0,83	0,77	0,59	0,5	0,47	0,38	0,4
Elf1	1	0,97	0,87	0,77	0,67	0,66	0,63	0,55
Spn1	0,97	1	0,88	0,79	0,68	0,67	0,65	0,54
Y1P	0,87	0,88	1	0,85	0,57	0,65	0,6	0,56
S2P	0,77	0,79	0,85	1	0,45	0,59	0,58	0,47
Pcf11	0,67	0,68	0,57	0,45	1	0,79	0,79	0,65
Rna14	0,66	0,67	0,65	0,59	0,79	1	0,86	0,61
Rna15	0,63	0,65	0,6	0,58	0,79	0,86	1	0,65
Rtt103	0,55	0,54	0,56	0,47	0,65	0,61	0,65	1